

CONTROL SLAGF 2003

Laboratorios participantes:

32 (treinta y dos)

Detalle:

Argentina (9 laboratorios)

Brasil (6)

Colombia (5)

Perú (3)

Uruguay (3)

Costa Rica (2)

Venezuela (2)

Cuba (1)

Honduras (1)

Resultados obtenidos:

Entregaron resultados: 27 laboratorios (84%)

Se logró consenso en 30 marcadores, todos ellos microsatélites (ver al final):

21 autosómicos, amelogenina y 8 Y-STRs.

Tipificación:

Todo correcto: 21 laboratorios (77,8%)

Con un error: 5 laboratorios (18,5%)

Con dos errores: 1 laboratorio (3,7%)

Error total en la tipificación: se analizaron 432 STRs, con 7 errores: 1,62%
--

Estadística:

18 laboratorios siguen las pautas de la ISFG (66,7%)

5 laboratorios fuera de consenso (18,5%)

4 laboratorios no contestan (14,8%)

RESULTADOS CORRECTOS (consenso 3 ó mas labs)

Opción 1: Tipificación de las tres muestras:

MARCADOR	MUESTRA 1	MUESTRA 2	MUESTRA 3
F13A01	6-7	6-6	6-7
F13B	9-10	9-10	10-10
LPL	11-12	10-12	10-12
D8S1179	14-14	15-15	14-15
D21S11	28-32.2	28-32.2	28-28
D7S820	11-11	8-11	8-11
CSF1PO	10-12	10-12	12-12
D3S1358	17-18	16-17	15-17
TH01	6-9	6-7	6-7
D13S317	10-11	11-12	10-12
D16S539	12-12	9-12	12-12
D2S1338	18-19	18-19	18-22
D19S433	13-14	13-14	13.2-14
VWA	17-17	17-17	16-17
TPOX	9-9	8-9	9-9
D18S51	13-14	13-17	14-17
D5S818	11-13	10-11	11-12
FGA	23-25	21.2-23	21.2-25
Amel	XY	XY	XX
Penta E	7-13	15-20	7-20
Penta D	11-12	11-12	10-11

FES/FPS	11-12	11-12	11-12
DYS 19	13	13	
DYS 390	24	24	
DYS 391	10	10	
DYS 392	11	11	
DYS 393	13	13	
DYS 385 a-b	16-18	16-18	
DYS 389 II	32	32	

Nota: los marcadores no incluidos en el presente cuadro no llegaron al mínimo de tres laboratorios coincidentes.

Opción 2:

a) La muestra 3 es la madre de las muestras 1 y 2.

b) M1 y M2 son además hijos del mismo padre (es decir, son HERMANOS COMPLETOS).

Opción 3:

a) Los cálculos estadísticos de la opción 2 dependen de los marcadores analizados por cada laboratorio.

b) EJERCICIO TEORICO

Considerando sólo marcadores autosómicos:

SISTEMAS		M1	M2	INDICE
D8S1179		12-13	10-12	1.1429
D18S51		13-17	13-17	9.6250
D3S1358		17-17	14-16	0.2500
HUMVWA		17-18	17-18	3.8529
D16S539		9-13	11-13	1.0833
HUMTHO1		6-9.3	8-9.3	0.7500
FGA		20-22	20-22	11.8977
D5S818		12-13	11-12	0.6288
D13S317		9-11	11-12	0.7500
D7S820		10-12	10-12	3.8075
D21S11		28-33.2	30-31	0.2500
CSF1PO		10-10	10-10	5.5312
TPOX		8-8	8-8	2.1916
ACUMULADO				557

Considerando marcadores de cromosoma Y:

DYS19		13	13	
DYS392		12	12	
DYS393		13	13	
ACUMULADO				407

Considerando ambos:

ACUMULADO TOTAL	226699
------------------------	---------------

La probabilidad de hermandad es superior al 99,99%.