



SOCIEDAD LATINOAMERICANA DE GENÉTICA FORENSE



XIII Jornadas Latinoamericanas de Genética Forense

Academia de Ciencias Policiales de Carabineros de Chile
Santiago de Chile
8 a 10 de agosto de 2023



Programa Final

Martes 8 de agosto

7:00 A 8:00 Registro

8:00 a 8:30 Inauguración

8:30 a 9:20 **Conferencia Magistral: Avances de la genética forense en el servicio médico legal.** José Andrés Manríquez Naveas. Servicio Médico Legal. Chile.

9:20 a 10:00 **Psicopatía y criminalidad violenta, genética de la personalidad.** Mauricio Valdivia Devia, Tte. CrI (R) de Carabineros. Docente Academia de Ciencias Policiales de Carabineros.

10:00 a 10:40 **Obtención de perfil genético desde piezas dentales sometidas a condición de sitio de suceso subacuático simulado.** Marcelo Hernán Alonso. LABOCAR, Carabineros Chile. TTe. Cnel (R) Luis Torres, primer criminalista subacuático de Sudamérica y explorador antártico.

10:40 a 11:00 Coffee Break /Trabajos libres

11:00 a 12:30 **Formación de recursos humanos y generación de conocimiento en Genética Forense. De los cursos en línea a los programas universitarios.**

Panorama de la educación en Genética Forense en Latinoamérica. Oriana Urrutia Salinas. Universidad de Chile y Universidad Tecnológica Metropolitana. Chile.

Cursos y Jornadas SLAGF. Ixchel De La Luz, Sociedad Latinoamericana de Genética Forense. México.

Curso Perito Experto en Genética Forense. Humberto Zurita, Universidad Nacional del Oriente. Bolivia.

Maestría en Genética Forense e Identificación Humana. José Miguel Moreno Universidad de Guadalajara. México.

Investigación y publicación científica en Genética Forense. Mireya Matamoros Zelaya. Revista de Ciencias Forenses de Honduras. Honduras.

Moderadora: Sinthia Pagano. Uruguay.

14:30 a 15:00 **Mejora en la recuperación de perfiles con amplificación dual de los kits GlobalFiler y NGM Detect.** Felipe Benavides González. Thermo Fisher Scientific Latam Sur. Chile.

15:00 a 15:40 **Comparación de kits comerciales en la resolución de casos simples y complejos en Uruguay.** Sandra Feder. Genodiagnosis. Uruguay.

15:40 a 16:20 **El poder oculto del microbioma humano en las ciencias forenses.** Carolina María Inostroza Silva. Universidad de los Andes. Chile.

16:20 a 16:50 **De STR a Genealogía Genética Investigativa Forense - Cómo implementar MPS en su laboratorio.** Paulo Raimman. Qiagen.





SOCIEDAD LATINOAMERICANA DE GENÉTICA FORENSE



19:00 a 20:30 Asamblea de delegados SLAGF. Hotel Santiago Marriott.

Miércoles 9 de agosto

8:00 a 8:30 **Estadística forense en cromosoma sexual X.** Héctor Rangel. México.

8:40 a 9:20 Buenas praxis en la escena del crimen ante la presencia de indicios entomológicos. Aaron Jara Peñailillo. LABOCAR, Carabineros Chile.

9:20 a 10:00 **Estrategias de segunda línea con SNPs: Búsquedas genómico-poblacionales y aplicaciones en genética forense.** Gian Carlo Iannacone, Perú.

10:00 a 10:30 Coffee break - Trabajos libres.

10:30 a 12:30 **Mesa redonda: Genética Forense y Derechos de los Niños, Niñas y Adolescentes**

Pericias infantiles y Ley Sabina. Ixchel De La Luz Martínez. identidadADN. México.

Adopciones e inscripciones irregulares. Marisol Rodríguez. Hijos y Madres del Silencio. Chile.

Violencia Institucional y necesidad de una Comisión de Verdad, Justicia y Reparación. Giannina Mondino. Defensoría de la Niñez. Chile.

12:30 a 14:30 Receso para almuerzo.

14:30 a 15:00 **Discusión de resultados del Control de Calidad 2022.** Ixchel De La Luz, Gustavo Penacino, Antonella Penacino. SLAGF.

15:00 a 16:00 **Conferencia MAGISTRAL: La Sociedad Latinoamericana de Genética Forense, 20 años de impacto en la región.** Gustavo Penacino. Consultor y Fundador de la Sociedad Latinoamericana de Genética Forense. Argentina.

16:00 a 16:30 Clausura de las XIII Jornadas Latinoamericanas de Genética Forense.

CAPACITACIONES

Jueves de agosto. 8:00 a 11:00

Capacitación	Instructores	Coordinadores	Aula
FamLinX	Héctor Rangel	SLAGF: Oriana Urrutia ACIPOL: Por designar	Sala multiuso
"El crimen perfecto no existe": la Genética Forense, el testigo silencioso más poderoso de la criminalística moderna.	Mayor Cristian Jofré Rickenberg Teniente Manuel Angulo Fuenzalida	SLAGF: Juan Carlos Jaime ACIPOL: Por designar	Aula Magna
Resolución de caso cerrado DVI con el software familias	Gian Carlo Iannacone	SLAGF: Mireya Matamoros ACIPOL: Por designar	Sala de simulaciones





SOCIEDAD LATINOAMERICANA DE GENÉTICA FORENSE



CELEBRACIÓN 20 AÑOS DE LA SLAGF

Jueves de agosto. 12:00 -17:00

Viña Cousiño Macul, Santiago de Chile.



VISITAS GUIADAS AL LABORATORIO DEL REGISTRO NACIONAL DE ADN - CODIS

Lunes 7, 16:00 a 18:00 h. CUPO LIMITADO.
Martes 8, 16:00 a 18:00 h. CUPO LIMITADO.



CAPACITACIÓN 1

FamLinkX

OBJETIVO:

Integrar las bases teóricas y prácticas del análisis de parentesco con perfiles genéticos X-STRs a la actuación pericial mediante el uso del software FamLinkX.

RESUMEN:

Los marcadores STRs autosómicos (aSTRs) constituyen la herramienta de elección que se analiza en los laboratorios de genética forense del mundo. Sin embargo, la limitada disponibilidad de participantes en la prueba de parentesco, situación común durante la identificación de personas desaparecidas, ha llevado a los genetistas forenses a implementar sistemas genéticos alternos. Entre ellos, los STRs del cromosoma X (X-STRs) han demostrado su eficacia para resolver casos complejos de parentesco donde al menos hay una mujer involucrada, como entre hermanas, medias hermanas, abuela paterna-nieta, casos de incesto, etc. Sin embargo, varios se han tenido que resolver para su implementación en identificación humana. En particular, el ligamiento genético entre marcadores cercanos en el cromosoma X, debido a que forman grupos de ligamiento o haplotipos al heredarse en bloque, además del desequilibrio de ligamiento (DL), el cual aumenta la posibilidad de que alelos de dos loci no sean independientes, es decir que se segreguen diferente a lo esperado por sus frecuencias alélicas. Una vez publicada la propuesta teórica, se desarrolló el software Famlink X (https://www.famlink.se/fx_index.html) para aplicar este marco teórico en casos de parentesco reales. En este curso se comparte nuestra experiencia en México sobre casos analizados con el kit Argus X12 (QIAGEN) y evaluados con Famlink X.

CAPACITACIÓN 2

“EL CRIMEN PERFECTO NO EXISTE”: la Genética Forense, el testigo silencioso más poderoso de la criminalística moderna.

OBJETIVO:

"La importancia de un adecuado tratamiento de las evidencias recolectadas en la escena del crimen, radica principalmente, en comprender las diferentes fases de la metodología de trabajo en la actuación pericial. Esto implica el correcto levantamiento, embalaje y rotulado de las evidencias orgánicas, así como la implementación de medidas de control y calidad en cada etapa. El objetivo principal es obtener pruebas que permitan la obtención de perfiles genéticos. Estos perfiles, obtenidos a través de los respectivos análisis de laboratorio, desempeñan un papel crucial que permitirá identificar y situar, tanto a víctimas como a victimarios en la escena del crimen."

RESUMEN:

El tema planteado, a modo de resumen, permitirá a los asistentes entender y comprender, la importancia de la Genética Forense en el campo de la Criminalística, y más aún, asociada al trabajo de la escena del crimen y su posterior resultado en laboratorio, lo cual permitirá tener una visión global e integral, entre el trabajo de los peritos, el tratamiento de las evidencias y los resultados de laboratorio, que permitirán vincular y situar a los participantes en el lugar de los hechos.

Dentro de los diferentes subtemas que se abordarán para dicha exposición se encuentran entre otros:

- Aspectos generales del Departamento de Criminalística "Labocar"
- Concepto Criminalística
- Metodología de trabajo en el Sitio del suceso (Escena del crimen)
- Principios de la Criminalística
- Casos prácticos y resultados exitosos, con evidencias orgánicas levantadas desde el sitio del suceso y análisis de laboratorio de Genética Forense.

Finalmente, y si las circunstancias lo hacen posible, se realizará un trabajo práctico de un Sitio del suceso, el cual permitirá a los asistentes, comprender de mejor manera como se realizan las pericias en un sitio del suceso, y diferenciar las misiones y técnicas aplicadas en terreno por parte del Jefe del equipo pericial, planimetrista y fotógrafo forense, observando las técnicas utilizadas para el levantamiento, embalaje y rotulado de evidencias, dependiendo de la naturaleza y características de las mismas.

CAPACITACIÓN 3.



USO DEL SOFTWARE FAMILIAS EN CASOS DE IDENTIFICACION POR ADN DE DESAPARECIDOS (DVI) - SIMULACION DE CASO DESASTRE CERRADO

OBJETIVO:

Brindar conocimientos prácticos en el contexto de Identificación de desaparecidos en situaciones de desastres masivos abiertos y cerrados por medio del análisis bayesiano de perfiles genéticos a través del uso del software Familias.

RESUMEN:

Los procesos de Identificación por ADN en casos de desastres masivos abiertos y cerrados se convierten en un reto según el estado de conservación de los restos, contexto del caso, estructura genética de donde provienen las víctimas y la disponibilidad de las muestras de referencia (familiares de los desaparecidos). Es por ello necesario que los profesionales involucrados en él procesos de análisis de ADN cuenten con los criterios adecuados para la evaluación de los cotejos de los perfiles genéticos y el uso normalizado de las herramientas informáticas de búsqueda y evaluación de hipótesis de pedigrí de las identificaciones. En ese contexto, el presente taller busca fortalecer las competencias de los criterios para un normalizado uso del software Familias y del módulo DVI en un contexto de presencia de mutación, subestructura poblacional y consanguinidad a través de un ejercicio simulado.

INDICACIONES: Se requiere que los participantes tengan una computadora con el software Familias instalado https://familias.name/Familias_releases/familias_v_3_3_1.exe y también contar con los archivos de la simulación: <https://slagf.org/controlslagf2023/> y descargar los documentos del botón "Ejercicio DVI básico CC 2023, de resolución OPCIONAL"

